

PROGRAMA

1^{era} Reunión Anual
SCB
Sociedad Chilena de Bioinformática
12, 13 Y 14 DE ENERO DE 2022

www.scbioinfo.cl



scbioinfo

SCB
Sociedad Chilena de Bioinformática



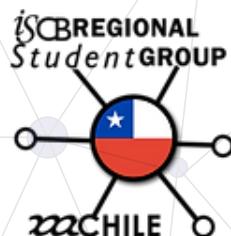
1^{era} Reunión Anual

SCB

Sociedad Chilena de Bioinformática

12, 13 Y 14 DE ENERO DE 2022

Organiza:



Auspicia:



www.scbioinfo.cl



scbioinfo



DÍA 1

12 DE ENERO DE 2022

09h00 - 09h15	BIENVENIDA
09h15 - 09h30	VINICIUS MARACAJA-COUTINHO Universidad de Chile Presentación de la Sociedad Chilena de Bioinformática
09h30 - 09h45	WENDY GONZÁLEZ Universidad de Talca Homenaje a los primeros Miembros Honorarios de la SCB
09h45 - 10h30	DAVID HOLMES Fundación Ciencia & Vida How I became a bioinformatician and my role in the early development of bioinformatics in Chile
10h30 - 11h30	COFFE-BREAK - SESIÓN DE POSTER 1
11h30 - 12h00	KAREN ORÓSTICA Instituto de Salud Pública Mutational signatures and transmissibility of SARS-CoV-2 Delta and Gamma variants
12h00 - 12h30	DANTE TRAVISANY Universidad de Las Américas Hacia una plataforma bioinformática de los genomas Chilenos de SARS-CoV-2
12h30 - 13h00	CARLOS LAGOS Universidad San Sebastián Identificación in silico de moduladores alostéricos de la ARN polimerasa dependiente de ARN del virus SARS-CoV-2
13h00 - 14h00	ALMUERZO
14h00 - 16h00	WORKSHOP 1 David Ramírez, Universidad de Concepción KNIME: Farmacoinformática para el diseño de fármacos
16h00 - 18h00	ASAMBLEA SCB





DÍA 2 - PARTE 1

13 DE ENERO DE 2022

09h00 - 09h30

DIEGO MIRANDA

Explora Maule

Proyectos de divulgación científica para aumentar el conocimiento público del naturalista Juan Ignacio Molina y temáticas de biodiversidad

09h30 - 10h00

NICOLE TREFAULT

Universidad Mayor

Simbiosis en ambientes extremos y el microbioma de las esponjas antárticas

10h00 - 10h30

VERÓNICA MOLINA

Universidad de Playa Ancha

Microorganismos desde el "ID" a su rol en ecosistemas acuáticos diversos

10h30 - 11h30

COFFE-BREAK - SESIÓN DE POSTER 2

11h30 - 11h45

SELECTED TALK 1 - ABSTRACT 33

Patricio Tapia-Reyes, Universidad Andrés Bello

Ensamblaje y anotación del genoma de Cistanthe longiscapa, una mirada genómica al desierto florido

11h45 - 12h00

SELECTED TALK 2 - ABSTRACT 37

Rodrigo Maldonado, Universidad Andrés Bello

Seasonal protein-coding gene expression and identification of non-coding RNAs in the Chilean Altiplano fish Orestias ascotanensis.

12h00 - 12h15

SELECTED TALK 3 - ABSTRACT 43

Carolina González, Fundación Ciencia y Vida

Integrative genomics shed light on evolutionary forces shaping acidophilic lifestyle

12h15 - 12h20

SHORT BREAK





DÍA 2 - PARTE 2

13 DE ENERO DE 2022

12h20 - 13h30

CONVERSATORIO 1

Retrospectiva Histórica de la Bioinformática en Chile

Modera: Melissa Alegria, Universidad de Las Américas

Panelistas: Alejandro Maass, Universidad de Chile

Angélica Fierro Huerta, PUC Chile

Danilo González, Universidad Andrés Bello

Wendy González, Universidad de Talca

13h30 - 14h30

ALMUERZO

14h30 - 14h45

SELECTED TALK 4 - ABSTRACT 51

Diego Cortez, Fundación Ciencia & Vida

A large-scale genome-based survey of acidophilic Bacteria suggests that genome streamlining is an adaption for life at low pH

14h45 - 15h00

SELECTED TALK 5 - ABSTRACT 15

Claudia Silva Andrade, Universidad Mayor

Comparative genomics of Clostridium baratii reveals strain-level diversity in toxin abundance

15h00 - 15h15

SELECTED TALK 6 - ABSTRACT 21

Ivana Orellana, Universidad Mayor

Mechano-Phisiology of titin

15h15 - 15h40

COFFE-BREAK - SESIÓN DE POSTER 3

15h40 - 16h00

CHARLA DE LA INDÚSTRIA

Andrea Silva, Austral-omics

16h00 - 18h00

CONVERSATORIO 2

Postgrados en Bioinformática y Biología Computacional: una mirada nacional

Modera: Christian Olivera, Universidad de Talca

Panelistas: Cristina Muñoz, Universidad Andrés Bello

Daniela Araya, Universidad de Talca

Evelyn Sánchez, Universidad Mayor

Javiera Cortés, PUC Chile

Joaquín Jensen, Universidad San Sebastián

Rúben Herzog, Universidad de Valparaíso

Sebastián Urquiza, Universidad de Chile





DÍA 3 - PARTE 1

14 DE ENERO DE 2022

09h00 - 09h30

ALEX DI GENOVA

Universidad de O'Higgins

Ensamblaje híbrido de genomas humanos: Algoritmos y Aplicaciones

09h30 - 10h00

JULIO CABALLERO

Universidad de Talca

LigRMSD: A web server for comparing similar compounds in protein-ligand docking

10h00 - 10h30

CAROL MORAGA

CNRS, Francia

Desarrollo de nuevos algoritmos para caracterizar el rol de los RNAs pequeños no codificantes en especies no modelo

10h30 - 11h30

COFFE-BREAK - SESIÓN DE POSTER 4

11h30 - 11h45

SELECTED TALK 7 - ABSTRACT 36

Maira Rivera, PUC Chile

The fold-switch energy profile of the metamorphic protein KaiB

11h45 - 12h00

SELECTED TALK 8 - ABSTRACT 11

Nicolas Espinosa, Universidad Adolfo Ibañez

Neo4GeNet: A platform for the study of contextualized gene regulatory networks and its application in SARS-CoV-2 infection

12h00 - 12h15

SELECTED TALK 9 - ABSTRACT 13

Alejandro Valdés Jiménez, Universidad de Talca

Parallel Algorithm for discovering and comparing three-dimensional proteins patterns

12h15 - 12h20

SHORT BREAK





DÍA 3 - PARTE 2

14 DE ENERO DE 2022

12h20 - 12h35

SELECTED TALK 10 - ABSTRACT 54

Wladimir Corrales, Universidad de Chile

Sex-biased impact of chronic stress on m6A modification machinery and neuroplastic pathways in the rat dorsal hippocampus

12h35 - 12h50

SELECTED TALK 11 - ABSTRACT 25

Valentina Opazo, Universidad de Concepción

Discovering the potential role of lncRNA in expression dynamics of POMC neurons during obesity

12h50 - 13h05

SELECTED TALK 12 - ABSTRACT 48

Kevin Aguilar-Valdés, Universidad de Talca

Identification of experimental and clinical characteristics for severity and pulmonary sequelae in Chilean COVID-19 patients using Artificial intelligence

13h05 - 13h30

CLAUSURA & PREMIACIONES

13h00 - 14h00

ALMUERZO

14h00 - 18h00

WORKSHOP 2

Laboratorio Nacional de Computación de Alto Rendimiento - NLHPC

Curso de introducción al HPC (Computación de Alto rendimiento)

16h00 - 18h00

WORKSHOP 3

Francisca Guzmán, Universidad Mayor

Modelando la Microescala



www.scbioinfo.cl



scbioinfo